

Identificada una base genética que contribuye al TDAH - El Periòdico de Catalunya - 27/11/2018

AVANCE CIENTÍFICO

Identificada una base genética que contribuye al TDAH

Una investigación ha analizado el genoma de más de 50.000 personas

EL PERIÓDICO
BARCELONA

Un estudio internacional con participación de investigadores españoles ha identificado una decena de genes que contribuyen al trastorno por déficit de atención con hiperactividad (TDAH) y han elaborado el primer mapa genético de esta patología. En el trabajo, que publicó ayer la revista especializada *Nature Genetics*, han participado más de 80 autores de 60 centros investigadores, en-

tre ellos investigadores de la Universitat de Barcelona (UB), del Hospital Vall d'Hebron, del Hospital Mútua Terrassa y del Instituto de Salud Global de Barcelona (ISGlobal). Según Bru Cormand, jefe del Grupo de Investigación de Neurogenética en la facultad de Biología de la UB, «este estudio refuerza, en contra de ciertas voces negacionistas, la idea de que el TDAH es un trastorno con una base biológica sólida, en la que la genética tiene mucho que decir».

La investigación ha analizado cerca de 10 millones de posiciones del genoma en más de 50.000 personas de diferentes países de Europa, Estados Unidos, Canadá y China. Tras es-

te análisis, que es el primer estudio mundial a escala genómica sobre el TDAH, los investigadores han identificado 12 fragmentos concretos del ADN relacionados con la susceptibilidad a esta patología, que es uno de los trastornos psiquiátricos diagnosticados de forma más común en la infancia y adolescencia (5 % de los niños y al 2,5 % de los adultos) aunque el número de casos diagnosticados e incluso su propia definición es objeto de no pocas objeciones. El TDAH se caracteriza por déficit de atención, hiperactividad y comportamiento impulsivo, y limita las habilidades personales y sociales de los afectados. Todo indica que el TDAH



►► Un niño jugando.

es el resultado de la combinación de factores ambientales (toxicológicos, psicosociales, con una base hereditaria poligénica (que explicaría cerca del 75 % del trastorno).

MAPA GENÉTICO // El trabajo, liderado desde las universidades de Harvard y Nueva York (EEUU) y de Aarhus (Dinamarca), se ha centrado en estudiar el papel que tienen en este trastorno las variantes genéticas frecuentes en la población general. El estudio ha revelado que las variantes genéticas comunes «tienen un peso del 21 % en el total de la genética del TDAH», según explica Bru Cormand.

En concreto, la investigación ha identificado 12 segmentos genómicos, 10 de los cuales corresponden a genes concretos, que confieren susceptibilidad al TDAH. El estudio internacional ha revisado también la posible base genética compartida entre el TDAH y más de 200 rasgos, tanto psiquiátricos como no. ■